## 基于深度神经网络的时空编码磁共振成像超分辨率重建方法\*

向鹏程 蔡聪波 王杰超 蔡淑惠† 陈忠

(厦门大学电子科学系,厦门 361005)

#### 摘要

单扫描时空编码磁共振成像是一种新型超快速磁共振成像技术,它 对磁场不均匀和化学位移伪影有较强的抵抗性,但是其固有的空间分辨 率较低,因此通常需要进行超分辨率重建,以在不增加采样点数的情况 下提高时空编码磁共振图像的空间分辨率.然而,现有的重建方法存在 迭代求解时间长、重建结果有混叠伪影残留等问题.为此,本文提出了 一种基于深度神经网络的单扫描时空编码磁共振成像超分辨率重建方 法.该方法采用模拟样本训练深度神经网络,再利用训练好的网络模型 对实际采样信号进行重建.数值模拟、水模和活体鼠脑的实验结果表明, 该方法能快速重建出无残留混叠伪影、纹理信息清楚的超分辨率时空编 码磁共振图像.适当增加训练样本数量以及在训练样本中加入适当的随 机噪声水平,有助于改善重建效果.

关键词:磁共振成像,时空编码,超分辨率重建,深度神经网络 PACS: 87.61.-c, 87.57.nf, 87.85.dq

**基金:**国家自然科学基金(批准号:11775184,82071913,U1805261)和福建省引导 性科技项目(批准号:2019Y0001)资助的课题.

\* 通讯作者. E-mail: shcai@xmu. edu. cn 第一作者. E-mail: 1416730238@qq. com

### 1 引言

单扫描时空编码磁共振成像(Spatiotemporally-encoded Magnetic Resonance Imaging, SPEN MRI)是一种新兴的超快速成像技术<sup>[1-3]</sup>.与回波平面成像(Echo Planar Imaging, EPI)相比, SPEN MRI 在相位编码维采用更大的带宽,这使得其 受磁场不均匀和化学位移的影响较小,但是大的采样带宽限制了其信号采样点数, 因此通常 SPEN MRI 的信号是欠采样的.根据 SPEN MRI 的稳定相位点特性, 可以直接对采样信号取幅值重建出 MRI 图像.然而,这样得到的图像空间分辨 率,不能满足实际应用的需要.因而需要对 SPEN MRI 采样信号进行超分辨率 (Super-Resolved, SR)重建.

SPEN MRI 采样时相邻稳定相位点在空间位置上存在部分重叠,这种"过采 样"机制提供了可用于 SR 重建的冗余信息<sup>44</sup>,基于此,近十年来,已有数种针 对于单扫描 SPEN MRI 的 SR 重建方法被提出,如共轭梯度下降法<sup>(4)</sup>、部分傅里 叶法<sup>[5]</sup>、去卷积法<sup>[6]</sup>和超分辨率增强边缘鬼影去除法(SEED)<sup>[7]</sup>等,共轭梯度下降 法将采样信号和相位信息矩阵离散化表示后,通过最小二乘拟合对采样信号的线 性方程组进行迭代求解得到 SR 图像.由该方法重建得到的图像的数字分辨率理 论极限为信号的采样点数,当信号欠采样倍数过大时,矩阵条件数随之变大,导 致可能无法对线性方程组进行求解.此外,通过梯度下降迭代法逼近方程的解, 容易受磁场扰动和梯度不准的影响;同时,如果相位信息矩阵的维度大,迭代求 解的过程将比较耗时.部分傅里叶法根据 SPEN MRI 采样信号的空间选择特性, 忽略距离稳定相位点较远位置的采样信号的贡献,通过对相位信息矩阵加入空间 位置选择加权因子,仅使用稳定相位点相邻区域的采样信号贡献重建出 SR 图 像.部分傅里叶法不需要通过迭代法求解,计算量小,重建速度快,但其 SR 图

2

像的理论数字分辨率极限也为信号采样点数.去卷积法首先巧妙地去除 SPEN MRI采样信号的二次相位调制,使原本相位震荡剧烈的采样信号变得平滑,然后 对信号沿空间编码维线性插值以抑制欠采样带来的混叠伪影,同时提升重建图像 的数字分辨率,最终通过反卷积重建出 SR 图像.去卷积法通过插值突破了采样 信号点数对重建结果数字分辨率的限制,但是这种插值只对图像分段平滑的区域 有效,不适用于图像边缘的尖锐区域和纹理信息比较丰富的区域,而这些区域往 往包含重要的信息,重建结果在这些区域可能存在残留伤影,空间分辨率较 低.SEED 法利用与混叠伪影相关的额外二次相位信息,通过填零提高重建结果 的数字分辨率,可以在不损失空间分辨率的情况下移除混叠伪影,达到理论上的 最优空间分辨率.该方法通过非线性共轭梯度算法迭代求解出最终结果,计算量 大,重建速度较慢.此外,在实验条件不理想的情况下,重建结果边缘区域存在 残留伪影.

随着计算机硬件性能的不断提升,深度学习技术得到飞速发展并越来越广泛 地应用于医学成像领域<sup>[8-19]</sup>. <u>深度神经网络(Deep Neural Network, DNN)是包含多</u> <u>个隐藏层的神经网络,它使用反向传播算法对网络进行训练,并采用梯度下降法</u> <u>更新卷积核的权重. DNN 采用局部连接和神经元权值共享的方式,可以直接将</u> <u>图像作为网络输入并自行提取如颜色、形状、纹理、结构等图像特征,在处理二</u> <u>维图像问题上有巨大的优势.基于 DNN</u>的 MRI 重建方法通过大量的数据样本 对深度神经网络进行训练,训练完成后的网络模型可以对相同特征类型的测试数 据快速完成重建<sup>[9,15-17,19]</sup>. <u>2015 年, Ronneberger 等人提出一种新型 DNN 结构 U-</u> <u>Net<sup>[20]</sup>. U-Net 是目前非常流行的一种 DNN,它使用对称的编解码器结构,在编</u> 解码器的同层之间建立直连,可以融合多尺度的特征信息,在医学图像分割和重 建上表现优异<sup>[21,22]</sup>.在此背景下,本文提出了一种基于 U-Net 的单扫描 SPEN MRI SR 重建方法.该方法根据实际 SPEN MRI 实验条件制作大量模拟训练样本,采用模拟样本对网络进行训练<sup>[9,17]</sup>,然后通过训练完成的网络模型对预处理后的 SPEN MRI 采样信号进行重建,得到 SR 图像.与现有的 SR 重建方法相比,该方法在能得到 SPEN MRI 的 SR 图像的同时,重建速度快,重建结果能消除混叠 伪影.

2 基于深度神经网络的重建方法

2.1 信号预处理

图 1 为本文所用单扫描 SPEN MRI 脉冲序列, 图中 G 代表脉冲梯度场, T 代表时间, N/2 代表采样模块重复次数.该序列在相位编码(phase-encoding, PE)维进行时空编码,读出(readout, RO)维为传统1 空间编码,采样信号为图像域-k 空间的混合空间域.SS 维为层选(slice selection)维.SPEN MRI 在 PE 维的全采样点数 N<sub>full</sub> 由 90° chirp 射频(RF)脉冲带宽 BW 和持续时间 T<sub>exc</sub> 决定:

$$N_{\rm full} = BW \cdot T_{\rm exc} \quad . \tag{1}$$

沿y方向进行时空编码一维成像时,其采样信号可表示为<sup>[5]</sup>:

$$s(t) \propto \int_{-L_{y}/2}^{L_{y}/2} \rho(y) e^{i \left( \frac{\gamma G_{\text{exc}} T_{\text{exc}}}{2L_{y}} y^{2} + \frac{\gamma G_{\text{exc}} T_{\text{exc}}}{2L_{y}} y - \frac{\gamma G_{\text{exc}} T_{\text{exc}}}{4} L_{y}^{2} + \gamma G_{\text{acq}} yt} \right)} dy \quad , \tag{2}$$

其中, p(y)为核自旋密度, p为核自旋的旋磁比, Ly为成像视野长度; Gexc 为编码 梯度强度; Gacq 为采样阶段的解码梯度强度.由式(2)可见采样信号中存在一个与 空间位置相关的二次相位调制.



SPEN MRI 信号的二次相位调制特性使其相位只在稳定相位点附近是缓慢 变化的,其它区域的相位则变化剧烈.相位变化剧烈区域的信号相互抵消,对成 像没什么贡献,却给重建带来困难,因此在将待重建信号输入深度神经网络前需 要去除此二次相位.去除二次相位的过程为,

$$\hat{s}(t) = s(t) \cdot e^{t \frac{\gamma G_{\text{exc}} T_{\text{exc}} y^2}{2L_y}} .$$
(3)

结合式(2)和(3),去除二次相位后的平滑信号 ŝ(t)为:

$$\hat{s}(t) \propto \int_{-L_y/2}^{L_y/2} \rho(y) e^{i \left(\frac{\gamma G_{\text{exc}} T_{\text{exc}}}{2L_y} y - \frac{\gamma G_{\text{exc}} T_{\text{exc}}}{4} L_y^2 + \gamma G_{\text{acq}} y t\right)} dy \quad . \tag{4}$$

对 *ŝ*(*t*) 沿 PE 维进行线性插值,插值后的信号在 PE 维方向上数据点数为全 采样点数 *N*<sub>ful</sub>.将插值后的信号归一化,即可分别取其实部和虚部作为卷积神经 网络的双通道输入.

对二维采样,如果RO维采样点数少于Nfull,在去除二次相位前要对混合空间 域的采样信号沿RO维填零并进行一维傅里叶变换,将信号转化为图像域.RO维 填零后的大小与PE维全采样点数Nfull相等,以使采样信号经预处理后作为网络输 入的图像域数据为方形矩阵. 2.2 训练样本制作

要对深度神经网络进行训练需要大量的样本,样本采集耗时长,而且真实的 实验环境往往不理想,无法获得作为标签的实验数据,因此我们采用模拟方法生 成 SPEN MRI 信号来制作训练样本.

2.2.1 采样模板制作

我们在 MATLAB 软件上运行自己编写的代码生成批量的具有不同纹理结构和磁共振参数分布的随机模拟采样模板,核自旋密度分布 Mo的取值范围为[0,1],横向弛豫时间 T<sub>2</sub>的取值范围为[0,0.25 s]. 纵向弛豫时间 T<sub>1</sub>设为 1 s, 受不均匀磁场影响的横向弛豫时间 T<sub>2</sub>\*设为 0.02 s.

2.2.2 模拟信号采集

将 SPEN MRI 序列和采样模板导入 MRiLab 模拟软件<sup>[23]</sup>中,设置序列参数 与实际实验一致.在实际实验中,静磁场 **B**0 往往不完全均匀.为了提高重建方 法的鲁棒性,我们根据实际实验条件对 **B**0 场不均匀性进行建模,然后在模拟的 不均匀磁场条件下进行模拟信号采集.**B**0 场的不均匀性由下式表示:

 $\Delta B_0(x, y) = amp_0 \times (a_0 x + b_0 y + c_0 xy + d_0 x^2 + e_0 y^2 + f_0 xy^2 + g_0 x^2 y) / \gamma$ , (5) 其中,  $amp_0$ 为控制  $B_0$ 场偏离程度的参数,在建模时通过拉莫进动频率公式与频 率偏移  $\Delta f$ 关联;  $a_0$ 、 $b_0$ 、 $c_0$ 、 $d_0$ 、 $e_0$ 、 $f_0$ 、 $g_0$ 为方程中各项的系数,服从[-0.5, 0.5] 之间的均匀分布; x、y为  $B_0$ 矩形模板经过归一化后的坐标值,范围是[-1, 1]. 2.2.3 模拟信号预处理

在通过 MRiLab 软件获得 SPEN MRI 模拟采样信号后,按 2.1 的方法对其进行预处理.考虑到实际实验中存在噪声,我们对预处理后的信号加入与实验环境相当的正态分布的高斯随机噪声,然后分别取其实虚部作为训练深度神经网络的

双通道输入数据.

2.2.4 标签制作

我们采用理想实验条件下的全采样 SPEN MRI 模拟信号图像作为标签. 首先去除式(5)的磁场不均匀偏移量, 然后采用相同的脉冲序列对采样模板进行采样, PE 维和 RO 维的采样点数均为 N<sub>full</sub>,获得相同采样模板的理想 SPEN MRI 全采样模拟信号. 对此全采样模拟信号进行二维傅里叶变换, 归一化后取幅值作为训练深度神经网络的标签.

2.3 网络结构

本文选用 U-Net<sup>[20]</sup>进行图像重建.我们使用 PyCharm 编译器和深度学习框架 PyTorch 搭建一个如图 2 所示的 5 层的 U-Net 深度神经网络.输入通道数为 2,分别对应预处理后的采样信号的实部和虚部,输出通道为 1,即输出重建的 SR 图像.



Fig. 2. Diagram of U-Net network structure.

训练网络的损失函数采用均方误差(Mean Square Error, MSE),其可以表示为:

$$\log = \frac{1}{N_s} \sum_{i=1}^{N_s} \|f(X_i, W, B) - L_i\|_2^2 \quad ,$$
 (6)

其中, N<sub>s</sub>为每次迭代训练时的图像块数目; f()为网络所学习的输入 X 和输出 Y 间的非线性映射函数; L 表示标签; W 表示网络卷积层的权重信息; B 表示偏置. W 和 B 随着对网络的迭代训练而不断更新.

采用上述批量训练样本对深度神经网络进行训练,直至网络收敛,然后保存 训练好的网络模型.将按照2.1预处理后的SPEN MRI实际采样信号数据输入训练 好的网络模型,即可重建得到SR图像.

3 实验方法

实验所用脉冲序列如图 1 所示.数值模拟实验在 MRiLab 上进行,水模和活体鼠脑实验在 7T Varian MRI 仪上进行.使用异氟烷将大鼠麻醉并放置在动物床上进行实验,所有操作均遵守厦门大学实验动物管理中心的规定.对采样信号的预处理在 MATLAB 软件上通过自己编写的程序完成.

数值模拟实验参数为:  $T_{\text{exc}} = 4 \text{ ms}$ , BW = 32 kHz,  $T_{\text{acq}} = 38.912 \text{ ms}$ , 回波时 间 TE = 45.21 ms, 重复时间 TR = 67.76 ms; PE 维采样点数  $N_{\text{pe}} = 64$ , 欠采样倍 数为 2; RO 采样点数  $N_{\text{ro}} = N_{\text{full}} = 128$ . 全采样信号点数[ $N_{\text{pe}}, N_{\text{ro}}$ ]=[128, 128], 模 拟信号采样时设置不均匀场频偏  $\Delta f = 1500 \text{ Hz}$ . 一共制作 3000 个训练样本, 训 练集、测试集、验证集的样本数比例为 8:1:1.

水模和活体鼠脑实验所用 BW、Texc、TE、Tacq、Npe、Nro参数均与数值模拟 实验一致.采用单扫描 SPEN MRI 序列进行水模实验时, BW = 250 kHz, 视野 (Field of View, FOV) = 5 cm × 5 cm, 层厚为 2 mm, 层数为 1. 多扫描快速自旋回 波(FSE)参考图像和 EPI 对比图像的采集在与 SPEN MRI 相同的实验环境下进行, 且 FOV、层厚、层数与 SPEN 序列采样时相同.FSE 的 TR = 3000 ms, 采样点数 [Npe, Nro] = [128, 128], 重复扫描 8 次.EPI 的 TE = 44.82 ms, 采样点数[Npe, Nro] = [64, 128]. 三种方法的活体鼠脑实验相关成像参数和水模实验相同. 考虑到多扫描 FSE 序列的采样时间较长,将 FSE 重复扫描次数减为 4.

训练数据沿 PE 维随机切成 64×128 的图像块. U-Net 卷积核大小为 3×3,步 长为 1, padding 形式为 same. 每次卷积后面都接一个 ReLU 激活函数. 降采样 过程最大池化尺寸为 2×2,步长为 2, padding 形式为 same. 反卷积核<u>(也称转</u> <u>置卷积核)</u>大小为 2×2,步长为 2, padding 形式为 same. 网络训练使用 2 个 GTX2080Ti, <u>batch size 大小为 8,</u>初始学习率为 1×10<sup>-4</sup>,每迭代 20000 步学习率 减小 0.5 倍,共迭代 15 万步.

<u>采用模拟样本对 U-Net 进行训练的训练误差和验证误差曲线如图 3 所示,训</u> 练完成后,训练误差和验证误差分别为 7.89×10<sup>-4</sup> 和 8.33×10<sup>-4</sup>.



使用目前单扫描 SPEN MRI 的最优 SR 重建方法 SEED 作为对比对本方法的 重建结果进行评价.两种方法的重建结果数字分辨率均为 128×128.对于数值模 拟实验,通过计算两种方法重建图像的结构相似性(Structural Similarity Index Metric, SSIM)和峰值信噪比(Peak Signal-to-Noise Ratio, PSNR)作为图像质量评估指标. SSIM 和 PSNR 的计算方式分别为:

SSIM(**Y**, **L**) = 
$$\frac{(2\mu_{Y}\mu_{L} + c_{1})(2\sigma_{YL} + c_{2})}{(\mu_{Y}^{2} + \mu_{L}^{2} + c_{1})(\sigma_{Y}^{2} + \sigma_{L}^{2} + c_{2})} , \qquad (7)$$

其中, $\mu_Y$ 为重建图像 Y 的平均值; $\mu_L$ 为标签 L 的平均值; $\sigma_Y^2$ 为 Y 的方差; $\sigma_L^2$ 为 L 的方差; $\sigma_{YL}$ 为 Y 和 L 的协方差; $c_1 = (k_1V)^2$ 、 $c_2 = (k_2V)^2$ 为用来维持稳定的常数 项, $k_1 = 0.01$ , $k_2 = 0.03$ , V 为图像的像素值范围.

$$PSNR = 20 \lg \frac{MAX_L}{MSE} , \qquad (8)$$

其中, $MAX_L$ 为标签 L 的最大值, MSE 为 Y 和 L 的均方误差.

4 结果与讨论

4.1 数值模拟实验



Fig. <u>4</u>. Numerical simulation results. The region <u>enclosed by the</u> red rectangle is enlarged and displayed in the lower right corner of the corresponding figure.

图 <u>4</u>为数值模拟实验结果.由于数值模型的采样信号在不同区域的交界处变 化比较剧烈,全采样标签图中有振铃效应导致的截断伪影.SEED 方法的重建时 间约为 117 s,而 U-Net 方法的重建时间大约为 1 s,重建时间大大缩短.比较 U-Net 和 SEED 的重建结果可以看到,两者都能对原始 SPEN MRI 采样信号进行超 分辨率重建, 解决 SPEN 固有空间分辨率较低的问题.如图 4 中红色矩形框所指 区域所示,相比于 SEED 方法, U-Net 的重建结果与全采样标签更接近.SEED 重建结果的 SSIM 和 SNR 分别为 91.56%和 24.94 dB, 而 U-Net 重建结果的 SSIM 和 SNR 分别为 91.56%和 24.94 dB, 而 U-Net 重建结果的 SSIM 和 SNR 分别为 93.61%和 27.83dB, 两项评价指标都有提升.

4.2 水模实验

不同成像序列和重建方法得到的结果如图 5 所示. SEED 方法的重建时间约为 1 29 s, U-Net 方法的重建时间约为 1 s. 由图可见, SEED 方法重建结果存在 受振铃效应影响导致的截断伪影,而该效应在 U-Net 重建结果中得到了改善. 比较图 5 中的红色矩形框区域可以看到, U-Net 和 SEED 方法对欠采样倍数为 2 的 水模 SPEN MRI 采样信号 SR 重建后图像的空间分辨率都接近多扫描 FSE 全采 样参考图,明显优于相同采样点数下的 EPI 图像.此外,由于主磁场并不完全均 匀,加上水模样品本身存在不均匀,EPI 图像发生明显扭曲,同时 EPI 图像中还存在欠采样导致的混叠伪影;而 SPEN MRI 对不均匀场抵抗性较强,畸变较小,同时混叠伪影也被消除,



图 5 不同成像序列和重建方法得到的水模图像. 红色矩形所围区域放大显示于相应图的左

<u>下角</u>.

Fig. <u>5</u>. Water phantom images obtained by different imaging sequences and reconstruction methods. The region <u>enclosed by the</u> red rectangle is enlarged and displayed in the lower left corner of the corresponding figure.

4.3 活体鼠脑实验

不同成像序列和重建方法得到的结果如图 <u>6</u>所示.进行活体鼠脑实验时,我 们使用的接收线圈为体线圈,采样信号 SNR 较低,因此在比较不同方法的重建 结果时,我们主要关注信号强度较高的脑区部分.SEED 方法重建时间约为 154 s,U-Net 重建时间约为 1s.从图 <u>6</u>可以看到,由于受不均匀场影响,相比于 FSE 参考图像,EPI 图像扭曲十分严重,而 SPEN MRI 对不均匀场的抵抗性明显增强, 鼠脑区域扭曲较小.与 SEED 的重建结果相比,U-Net 的重建结果在鼠脑边缘区 域的亮暗变化较小,更接近参考图像.



### 图 6 不同成像序列和重建方法得到的活体鼠脑图像

Fig. <u>6</u>. In vivo rat brain images obtained by different imaging sequences and reconstruction methods.

4.4 讨论

由于 SPEN MRI 在实际实验时往往是欠采样的,其 SR 重建图像往往存在混 叠伪影,本文提出的方法利用深度神经网络学习输入和全采样标签之间的映射关 系,能够重建出无混叠伪影的图像.SEED 方法也能去除欠采样混叠伪影,然而 它对信号采集的实验条件要求比较严格,例如 chirp 激发脉冲要准确,否则它可 能无法提取到精确的边缘混叠伪影信息,导致重建结果伪影不能完全消除.此外, 采用 SEED 方法重建时,需要设置合理的重建参数,因此需要耗费一定的时间对 重建参数进行优化选择.例如对于不同样品的采样信号,往往需要设置不同的小 波变换和有限差分变换的正则化因子,这两个正则化因子会影响重建结果的伪影 抑制能力和空间分辨率.与 SEED 方法相比,U-Net 方法对不同的待重建数据的 泛化能力更强,同时重建速度也大大加快.

深度神经网络方法的重建结果会受到一些因素的影响,例如网络模型结构和 深度、损失函数的选择、网络通道数、训练样本数、训练样本的嗓声水平、训练 数据是否切块以及切块大小等.在重建过程中我们发现,在网络深度方面,适当 增加 U-Net 的卷积层深度可以增强网络的特征提取能力,使得重建结果的分辨率 更高、纹理更精细,但并不是层数越多越好,网络层数越多占用的内存越多,计 算量越大,训练速度越慢,还可能产生过拟合,综合考虑网络的数据特征提取能 力、计算量以及训练时间,我们采用的下采样卷积层深度为5.在对网络的训练 过程中我们发现,对训练样本进行归一化会大大提升重建结果质量,我们采用批 最大值归一化方式.另外,对训练数据进行切块以减小特征图运算时的尺寸有利 于加快网络的训练速度,因此在输入给网络时我们对训练数据沿直接采样维进行 切块处理,切块大小为原训练样本尺寸的一半.

深度神经网络通过大量的训练样本提取数据特征,并将学习到的输入输出间 的非线性映射关系向同类型测试数据泛化,因此对基于深度神经网络的 SR 重建 方法,训练样本至关重要.下面我们分别对训练样本数量和训练样本的噪声水平 这两个比较关键的因素对重建结果的影响进行讨论.对 SPEN MRI 信号采样的 实验条件和相关成像参数与前面相同.

为探讨训练样本数对重建结果的影响,我们分别采用1000、1600和3000个

13

样本对网络进行训练,其对应的重建结果如图 2 所示.水模本身包含的纹理信息 不丰富,我们通过比较空间分辨率的提升来讨论训练样本数对本方法重建质量的 影响.当将训练样本数量从 1000 增大到 1600 时,水模重建结果分辨率有提升但 仍不太理想.继续增大训练样本数量到 3000 时,水模重建结果的空间分辨率表 现良好.对鼠脑而言,当只用 1000 个样本训练网络时,由于数据量太少,鼠脑 的重建结果缺失了一些纹理和组织结构信息,脑部区域的分辨率也比较低.随着 样本数量的增加,网络可以有更多的数据来学习输入输出之间蕴含的映射关 系.当样本量分别增加到 1600 和 3000 时,鼠脑组织结构的细节逐渐丰富,同时 脑部区域的分辨率也有较明显的提升.继续增大训练样本量,网络收敛时的损失 值和对重建结果质量的提升不明显.



Fig. 7. Images reconstructed by 5-layer U-Net trained with different amount of training samples.

为了模拟实际实验条件,增强重建方法的鲁棒性,在制作模拟训练样本时往 往需要加入与实采信号相似分布的高斯随机噪声.经预处理后的训练样本的幅值 取值范围为[0,1],根据实际信号采样时的噪声水平范围,本文对 3000 个训练样 本加入不同均值分布的高斯随机噪声,不同噪声水平训练样本下水模重建结果如 图 <u>8</u>所示.由于用 MRiLab 模拟采样时实验环境是理想的,当不对模拟样本加随 机噪声直接对网络进行训练时,实采水模重建结果较差.逐渐加大噪声水平,图 像重建质量得到提升,但当所加的随机噪声大于一定阈值后,重建结果变差.噪 声均值在 8×10<sup>-3</sup> 的训练样本所训练的网络重建结果最好.



图 <u>8</u> 采用不同噪声水平样本训练的 5 层 U-Net 网络重建的水模图像 Fig. <u>8</u>. Water phantom images reconstructed by 5-layer U-Net trained with samples having different noise levels.

## 5 结 论

本文提出了一种基于深度神经网络的单扫描 SPEN MRI 超分辨率重建方法.该方法根据实际实验条件利用 MRiLab 软件制作出批量模拟训练样本,然后选取合适的网络结构和参数对网络模型进行训练,最后将预处理后的单扫描SPEN MRI 采样信号输入到训练好的网络模型,得到超分辨率图像.与现有的超分辨率重建方法相比,本文的方法能在1s内快速重建出无残留混叠伪影、纹理信息清楚的超分辨率 SPEN MRI 图像.本文也探讨了训练样本数量和在训练样本中添加随机噪声对重建结果的影响.在未来的工作中,我们将进一步从训练样本制作和网络结构方面进一步完善重建方法,并将其应用于 SPEN MRI 的应用研究中.

#### 参考文献

- [1] Shrot Y, Frydman L 2005 J. Magn. Reson. 172 179
- [2] Tal A, Frydman L 2006 J. Magn. Reson. 182 179
- [3] Solomon E, Avni R, Hadas R, Raz T, Garbow J R, Bendel P, Frydman L, Neeman M 2014 Proc. Nati. Acad. Sci. USA 111 10353
- [4] Ben-Eliezer N, Irani M, Frydman L 2010 Magn. Reson. Med. 63 1594
- [5] Chen Y, Li J, Qu X B, Chen L, Cai C B, Cai S H, Zhong J H, Chen Z 2013 Magn. Reson. Med. 69 1326
- [6] Cai C B, Dong J Y, Cai S H, Li J, Chen Y, Bao L J, Chen Z 2013 J. Magn. Reson.
  228 136
- [7] Chen L, Li J, Zhang M, Cai S H, Zhang T, Cai C B, Chen Z 2015 Med. Image Anal. 23 1
- [8] Aliotta E, Nourzadeh H, Sanders J, Muller D, Ennis D B 2019 Med. Phys. 46
  1581
- [9] Chun J, Zhang H, Gach H M, Olberg S, Mazur T, Green O, Kim T, Kim H, Kim J S, Mutic S, Park J C 2019 Med. Phys. 46 4148
- [10] Le M H, Chen J, Wang L, Wang Z, Liu W, Cheng K-T, Yang X 2017 Phys. Med. Biol. 62 6497
- [11] Liu Y, Lei Y, Wang Y, Wang T, Ren L, Lin L, McDonald M, Curran W J, Liu T,Zhou J, Yang X 2019 *Phys. Med. Biol.* 64 145015
- [12] Luo L L, Wang Y J 2020 Chin. J. Med. Phys. 37 873 (in Chinese) [罗伶俐, 王 远军 2020 中国医学物理学杂志 37 873]

- [13] Wang T T, Wang H, Zhu Y C, Wang L J 2021 Acta Phys. Sin. in press (in Chinese)
  [王甜甜,王慧,朱艳春,王丽嘉 2021 物理学报 印刷中
  https://kns.cnki.net/kcms/detail/11.1958.O4.20210819.1356.014.html]
- [14] Schlemper J, Caballero J, Hajnal J V, Price A N, Rueckert D 2017 *IEEE Trans.Med. Imaging* 37 491
- [15] Shi J, Liu Q, Wang C, Zhang Q, Ying S, Xu H 2018 Phys. Med. Biol. 63 085011
- [16] Quan T M, Nguyen-Duc T, Jeong W-K 2018 IEEE Trans. Med. Imaging 37 1488
- [17] Guo C L, Wu J, Rosenberg J T, Roussel T, Cai S H, Cai C B 2020 Magn. Reson.Med. 84 3192
- [18] Akkus Z, Galimzianova A, Hoogi A, Rubin D L, Erickson B J 2017 J. Digit. Imaging 30 449
- [19] Zhang J, Wu J, Chen S J, Zhang Z Y, Cai S H, Cai C B, Chen Z 2019 IEEE Trans. Med. Imaging 38 1801
- [20] Ronneberger O, Fischer P, Brox T 2015 18th International Conference on Medical Image Computing and Computer-Assisted Intervention (MICCAI) Munich, Germany, October 5-9, 2015 p234
- [21] Siddique N, Paheding S, Elkin C P, Devabhaktuni V 2021 *IEEE Access* 9 82031
  [22] Yang G, Yu S M, Dong H, Slabaugh G, Dragotti P L, Ye X J, Liu F D, Arridge S,

Keegan J, Guo Y K, Firmin D 2018 *IEEE Transactions on Medical Imaging* **37** 1310

[23] Liu F, Velikina J V, Block W F, Kijowski R, Samsonov A A 2016 IEEE Trans. Med. Imaging 36 527

# Super-resolved Reconstruction Method for Spatiotemporally Encoded MRI Based on Deep Neural Network<sup>\*</sup>

Xiang Peng-Cheng Cai Cong-Bo Wang Jie-Chao Cai Shu-Hui $^{\dagger}$  Chen Zhong

(Department of Electronic Science, Xiamen University, Xiamen 361005, China)

#### Abstract

Single-shot spatiotemporally-encoded magnetic resonance imaging (SPEN MRI) is a novel ultrafast MRI technology. SPEN MRI possesses great resistance to inhomogeneous B<sub>0</sub> magnetic field and chemical shift effects. However, it has inherently low spatial resolution, and superresolved reconstruction is required to improve the spatial resolution of SPEN MRI image without additional signal acquisition. Several superresolved reconstruction methods have been proposed, but they suffer from the problems of long iterative solution time and/or aliasing artifacts residue in the reconstructed results. In this paper, a super-resolved reconstruction method is proposed for single-shot SPEN MRI based on deep neural network. This method uses simulation samples to train the deep neural network, and then uses the trained network model to reconstruct real sampled signals. Experimental results of numerical simulation, water phantom and in vivo rat brain show that this method can quickly reconstruct a super-resolved SPEN image with no residual aliasing artifacts

and clear texture information. Appropriate amount of training samples and appropriate random noise level for training samples help to improve the reconstruction results.

Keywords: magnetic resonance imaging, spatiotemporal encoding, super-

resolved reconstruction, deep neural network

\* Project supported by the National Natural Science Foundation of China (Grant Nos. 11775184, 82071913, U1805261), and the Leading (Key) Project of Fujian Province of China (Grant No. 2019Y0001).

A HAMAN