盐对 DNA 相变影响的非线性特性研究*

董瑞新¹²) 闫循领²) 庞小峰¹⁾ 刘盛纲¹⁾

¹(电子科技大学物理电子学院,成都 610054)
 ²(聊城大学物理科学与信息工程学院,聊城 252059)
 (2002年12月27日收到2003年5月27日收到修改稿)

在 Prohofsky, Peyrard-Bishop 等提出的描述 DNA 双螺旋分子结构模型以及实验测量的基础上,给出了与盐(指 NaCl 浓度有关的哈密顿模型,得到了非线性动力学方程及扭结孤波解.并由此求出了 DNA 变性相变所需要的 Peierls 相变力.进一步讨论了盐浓度对相界面和相变力的影响,得到的结果与实验测量一致.

关键词:DNA,盐浓度,相界面,相变力 PACC:8140,0340K

1.引 言

蛋白质、核酸是所有生命活动的重要基础物质, 蛋白质和核酸的结构及其动力学特性的研究是分子 物理学的重要研究领域,近几年在国内外都得到广 泛关注^{1-5]}. 脱氧核糖核酸 DNA 是遗传信息的载 体,是生物遗传的物质基础,遗传信息由 DNA 转录 到 RNA 是遗传信息传递的第一步, 所以转录是生 命科学中的一个重要研究方向。由于在转录过程中 伴随着 DNA 的局部解链,即变性相变,所以对其变 性过程的了解将有助于阐明这种分子结构和功能之 间的关系.促使变性的因素很多,如温度、湿度、溶 液的盐浓度、pH 值、有机溶剂和周围的外场等等, 这就使研究环境因素对 DNA 结构和功能的影响越 来越重要. 十几年来,在理论和实验两方面对 DNA 变性进行了大量的研究^[6,7],并提出了各种理论模 型^[8-10]. 由于 DNA 处于含盐的环境中,盐浓度作为 影响结构和性能的一个重要因素,对其进行的研究 越来越多^[11-13],例如盐浓度的变化可以使 DNA 的 构型发生改变(B-Z的转变和变性等),也就是说离 子环境可以使 DNA 发生相变.

随着光钳等纳米微操作技术的发展,使得操纵 单个 DNA 分子成为可能^{14—17]}.最近 Smith 等^{16]}通 过实验发现,当大约 65 pN 的力作用在 DNA 上时, 分子会延伸达原来的 1.7 倍,导致双螺旋解链,出 现 B-S 的相变. DNA 所处溶液的盐浓度不同,双链 断裂所需要的力也不同.不久前,Wenner 等^[18]从实 验中测得离子浓度与相变力的关系,由此说明外力 也可以使 DNA 发生相变,并且盐浓度明显影响了 相变力的大小.

尽管有较多的分子模型描述 DNA 的结构, 讨 论了相关的动力学特性,得到了许多有意义的结 果^[18-20],但模型中涉及到盐离子浓度对 DNA 性能 影响的并不多.我们在 PB 模型^[8]以及 Prohofsky 等 所给出模型^[10]的基础上,考虑到主链的影响^[21],并 根据实验结果^[22-26],给出了与盐(NaCl)浓度有关的 哈密顿函数,计算了与 DNA 变性直接相关的扭结 孤立子解,得到了相变所需要的界面驱动力,并讨 论了它们随盐浓度的变化,所得结果与实验一致.

2. 模型的描述

B型 DNA 的双螺旋结构如图 1 所示,箭头表示 碱基与主链的连接方向,同一平面上的互补碱基对 由共轭箭头表示,相邻碱基对平面之间的距离为 0.34 nm.图 2 表示投影到 xy 平面上的两个互补的 碱基对,m, u_n 和 v_n 分别表示互补链的第n个碱基 对中碱基的质量和沿氢键方向偏离平衡位置的位 移;M, R_n 为主链格点元胞的质量和偏离平衡位置 的位移.不考虑链的不均匀性,DNA 双螺旋的结构 稳定性和相变主要由链内氢键和碱基对之间的堆砌

^{*} 教育部博士点基金(批准号 20010614005) 资助的课题.

相互作用决定.





图 1 B-DNA 的结构示意图



图 2 DNA 互补碱基对的截面投影示意图

为了描述链间氢键的相互作用,不同文献中采 用了多种势能形式,如 Morse 势、Toda 势、Lennard-Jones 势和 ϕ^4 势等^[27-31].为了更好地阐述 DNA 相 变的动力学特性,在我们的模型中采用 ϕ^4 势,近 邻碱基对之间的堆砌相互作用采用谐振形式,则描 述系统的哈密顿量可表示为

 $H = H_b + H_N + H_{int}, \quad (1)$ 其中 H_b 为碱基运动所对应的哈密顿量

$$H_{b} = \sum_{n} \left[\frac{1}{2} m (\dot{u}_{n}^{2} + \dot{v}_{n}^{2}) + \frac{1}{2} k_{r} \left[(u_{n} - u_{n-1})^{2} \right] \right]$$

+ $(v_n - v_{n-1})^2$] + $V(u_n - v_n)$]. (2a)

(2a)式等号右端第一项为两个互补碱基的动能;第 二项为近邻碱基之间的堆砌能,其中 k,为堆砌碱 基之间的耦合系数;在不考虑盐影响的情况下第三 项取为 ∮⁴ 势

 $(u_n - v_n) = -a(u_n - v_n) + b(u_n - v_n)$, 其中 a, b 为势能系数. $(u_n - v_n)$ 不仅表示互补链 间的氢键相互作用,而且还有磷酸基团之间的静电 斥力以及周围溶剂对其的影响.在盐溶液中,阳离 子与 DNA 的磷酸根结合,导致磷酸根之间的库仑 斥力减弱,使碱基之间氢键的结合程度提高,因此 在实际情况下应考虑盐离子的影响.盐浓度越高, 阳离子与磷酸根结合的平均数越多,碱基之间氢键 的平均结合能越大^[18].根据对大量实验结果^[22-26] 的分析,在盐浓度不太高时,可近似地认为氢键相 互作用能与盐浓度的一次方成正比.同时,碱基之 间的堆积相互作用也不同程度地受到影响,但由于 堆积作用与氢键的方向垂直,受到的影响较小可以 忽略.因此 $(u_n - v_n)$ 的形式可取为

$$V(u_n - v_n) = (1 + \lambda \mathbf{I} - a(u_n - v_n)^2 + b(u_n - v_n)^2],$$

其中 $\lambda = N/N_0$, N 为摩尔盐浓度, $N_0 = 1 \text{ mol/I}$

设

$$r'_{n} = (u_{n} + v_{n})/\sqrt{2}$$

$$r_{n} = (u_{n} - v_{n})/\sqrt{2}$$

其中 r'_n, r_n 分别表示两个碱基的质心位移和氢键的 延伸,因此(2a)式变为

$$H_{b} = H_{r'} + H_{r}$$

$$= \sum_{n} \left[\frac{1}{2} m \dot{r}_{n}^{\prime 2} + \frac{1}{2} k_{r} (r_{n}' - r_{n-1}')^{2} \right]$$

$$+ \sum_{n} \left[\frac{1}{2} m \dot{r}_{n}^{2} + \frac{1}{2} k_{r} (r_{n} - r_{n-1})^{2} + (1 + \lambda) (1 - ar_{n}^{2} + br_{n}^{4}) \right]. \quad (2b)$$

由于质心运动与相变无关,所以只需考虑 H,.

方程(1)中的 H_N 表示主链上格点元胞运动所 对应的哈密顿量

 $H_{N} = \sum_{n} \left[\frac{1}{2} M \dot{R}_{n}^{2} + \frac{1}{2} k_{R} (R_{n} - R_{n-1})^{2} \right], (3)$ 其中 *M* 和 *R_n* 分别为主链上第 *n* 个格点的质量和偏 离平衡位置的位移, *k_n* 为主链的刚性系数.

方程(1)中的 H_{int}为主链格点偏离平衡位置的 位移对氢键延伸相互作用哈密顿量的影响

$$H_{\rm int} = \sum_{n} [m\chi r_n^2 (R_n - R_{n-1})], \qquad (4)$$

其中 γ 为耦合常数.

因此,描述系统的哈密顿量可简化为

$$H = H_r + H_N + H_{\text{int}}.$$

3. 运动方程和相变力

由哈密顿正则方程可以得到运动方程

$$m\ddot{r}_{n} = -\frac{\partial H}{\partial r_{n}} = k_{r}(r_{n+1} + r_{n-1} - 2r_{n}) - 2m\chi r_{n}(R_{n} - R_{n-1}) - \frac{\partial V_{n}}{\partial r_{n}}, \quad (6)$$

$$M\ddot{R}_{n} = -\frac{\partial H}{\partial R_{n}} = k_{R}(R_{n+1} + R_{n-1} - 2R_{n}) + m\chi(r_{n+1}^{2} - r_{n}^{2}).$$
(7)

采用连续近似

$$r_{n\pm 1} = r_n \pm a_0 \frac{\partial r_n}{\partial z} + \frac{1}{2} a_0^2 \frac{\partial^2 r_n}{\partial z^2} \pm \cdots,$$

$$R_{n\pm 1} = R_n \pm a_0 \frac{\partial R_n}{\partial z} + \frac{1}{2} a_0^2 \frac{\partial^2 R_n}{\partial z^2} \pm \cdots.$$

$$M\ddot{R} = k_R a_0^2 \frac{\partial^2 R}{\partial z^2} + m\chi a_0 \frac{\partial r^2}{\partial z} , \qquad (8)$$

$$m\ddot{r} = k_r a_0^2 \frac{\partial^2 r}{\partial z^2} - 2ma_0 \chi r \frac{\partial R}{\partial z} - [-2a(1+\lambda)r]$$

$$+ 4b(1 + \lambda)r^3$$
]. (9)

令 $\xi = z - vt$,则(8)式的解为

$$\frac{\mathrm{d}R}{\mathrm{d}\xi} = -\frac{ma_0\chi}{k_R a_0^2 - M v^2} r^2 + g_1 , \qquad (10)$$

式中 g_1 为待定的积分常数.将(10)式代入(9)式 可得

$$(k_r a_0^2 - mv^2) \frac{d^2 r}{d\xi^2} = -Ar + Br^3$$
, (11)

其中

$$A = 2a(1 + \lambda) - 2ma_0 \chi g_1 ,$$

$$B = 4b(1 + \lambda) - \frac{2m^2 a_0^2 \chi^2}{k_R a_0^2 - M v^2}$$

(11) 式为标准的 ∮⁴ 场方程,积分后得

$$(k_r a_0^2 - mv^2) \left(\frac{dr}{d\xi}\right)^2 = -Ar^2 + \frac{1}{2}Br^4 + g_2.$$
 (12)
取 $g_2 = \frac{A^2}{2B}$,可以得到(12)式的解及 r 的一阶导数
 r_{ξ} 为

$$r = \sqrt{\frac{A}{B}} \tanh \sqrt{\frac{A}{\chi (k_r a_0^2 - mv^2)}} \xi , \qquad (13)$$

$$r_{\xi} = \sqrt{\frac{A^2}{2B(k_r a_0^2 - mv^2)}} \operatorname{sech}^2 \sqrt{\frac{A}{\chi (k_r a_0^2 - mv^2)}} \xi . \qquad (14)$$

(5) 将(13) 武代入(10) 武可得

$$\frac{\mathrm{d}R}{\mathrm{d}\xi} = -\frac{ma_0 \chi A}{(k_R a_0^2 - M v^2)B}$$
$$\times \tanh^2 \sqrt{\frac{A}{\chi (k_R a_0^2 - m v^2)}} \xi + g_1. \quad (15)$$

取
$$g_1 = \frac{ma_0 \chi A}{(k_R a_0^2 - Mv^2)B}$$
, 则(15)式的解为

$$R = \frac{ma_0 \chi}{k_R a_0^2 - Mv^2} \sqrt{\frac{2A(k_r a_0^2 - mv^2)}{B^2}}$$
× $\tanh \sqrt{\frac{A}{\chi k_r a_0^2 - mv^2}} \xi$. (16)

徐祖耀等在研究马氏体相变时^[32,33],引入了孤 立子模型,把马氏体与母相之间的相界面看成一种 孤立波,研究了界面迁移所需要的 Peierls 力.由于 扭结孤立子为结构型孤立子^[34—36],它与双螺旋的 开闭直接相关,所以我们把 DNA 变性相变过程中 出现的开和闭的相界面看作孤立波,它随时间的移 动代表相界面的运动.界面在运动过程中,能量正 比于 r_{ε}^2 ,界面能呈尖锐的脉冲式分布.界面能主要 集中在宽度为 *d*(*d* 为孤波宽度)的区域中,且随相 界面同步移动.按文献 33],相界面的自由能为

$$E = \int \frac{\mathrm{d}z}{a_0} \left[\frac{1}{2} k_r a_0^2 \left(\frac{\partial r}{\partial \xi} \right)^2 - \frac{1}{2} A r^2 + \frac{1}{4} B r^4 \right].$$

(17)

在离散点阵的情况下,(17)式的积分可由求和 代替.设界面位于 *z* 处,将(13)(14)式代入(17) 式,则

$$E = \sum_{n=-\infty}^{+\infty} \left[\frac{k_r A a_0^2 \beta^2}{2B} - \frac{2k_r A a_0^2 \beta^2 + A^2}{2B} \right]$$

× tanh² β ($na_0 - z - vt$) + $\frac{2k_r A a_0^2 \beta^2 + A^2}{4B}$
× tanh⁴ β ($na_0 - z - vt$)]. (18)

作用在相界面上的作用力为

$$f = \frac{\beta (2k_r A a_0^2 \beta^2 + A^2)}{B} f_0 , \qquad (19)$$

其中

$$f_0 = \sum_{n=-\infty}^{+\infty} \tanh\beta (na_0 - z - vt)$$

$$\times \operatorname{sech}^4 \beta (na_0 - z - vt) ,$$

 $\beta = \sqrt{\frac{A}{\mathcal{X} k_r a_0^2 - mv^2}}.$

当 f_0 取最大值时, $F = f_{max}$ 即为相界面的相变力 ——Peierls力.

4. 数值计算及讨论

根据文献 21,37—40],计算过程中各参数的 选取为: $m = 130m_p = 2.16 \times 10^{-25}$ kg, $M = 309m_p = 5.13 \times 10^{-25}$ kg, $a_0 = 0.34$ nm, $a = 6 \text{ eV/nm}^2$, $b = 2 \times 10^2 \text{ eV/nm}^4$, $k_r = 0.3 \text{ eV/nm}^2$, $k_R = 2.8 \times 10^2 \text{ eV/nm}^2$, $m\chi = 1.5 \times 10^2 \text{ eV/nm}^3$,v = 50.1 m/s.

根据(13)(14)式, $r-\xi$ 和 $r_{\varepsilon}\xi$ 曲线及其随盐浓 度的变化关系如图 3 和图 4 所示. 从图 3 可以看 出,扭结孤波的幅度与盐浓度无关,但孤波宽度随 盐浓度的增加而减小.由于界面在运动过程中,能 量正比于 r_{ε}^2 . 从图 4 可以看出,当盐浓度增加时, 界面能量也随之增加,说明使 DNA 变性所需要的 能量是随盐浓度逐渐增加的,盐浓度越高越不容易 变性.这个结论与实验结果^[16,18]完全一致.



图 3 不同盐浓度下的 r- 5 曲线 曲线 1, 2, 3 分别对应的盐浓 度为 0.001, 0.5, 1 mol/L



图 4 不同盐浓度下的 r_ξ-ξ 曲线 曲线 1,2,3 分别对 应的盐浓度为 0.001,0.5,1 mol/L

根据(19)式可以得到相变力随盐浓度的变化规 律,部分数据列于表1,并与文献18]中的实验值 进行了对比.从表1可以看出,当盐浓度 *N* < 0.1 mol/L时,我们的计算结果与实验值符合得较好, 特别是当 *N* < 0.05 mol/L时,与实验值近似相等.

表 1 相变力的理论计算值与实验值^[18]的比较

盐浓度/mol·L ⁻¹	相变力 <i>F</i> /pN	
	理论计算值	实验值
0.0026	52.9	51.5
0.0100	54.1	55.3
0.0250	58.0	58.8
0.0530	64.0	61.0
0.1000	76.0	62.6
0.2500	120.0	65.5
0.5000	208.0	67.3

根据(19)式,我们还计算了相变力随盐浓度对数的变化规律,当t=0时, $F-\ln(N)$ 曲线如图 5 所示.从图 5 可以清楚地看出,在盐浓度较低时,相变力随盐浓度的增加近似线性增加,与实验结果相一致.这进一步说明我们的理论模型在低盐时较好地描述了 DNA 分子的相互作用机制.



图 5 相变力随盐浓度对数的变化曲线 虚线为本 文的理论计算结果,实线为文献[18]的实验测量 结果

相变力 随 盐 浓 度 的 变 化 关 系 可 以 通 过 Manning^[41]的补偿离子凝聚理论加以解释.由于盐 离子与 DNA 上的磷酸基团发生作用,它中和糖-磷 酸骨架上的负电荷,降低了链间的静电斥力.所以, 当盐浓度降低时,补偿离子的浓度也降低,对磷酸 基团的静电屏蔽作用减弱,因此磷酸基团之间的斥 力增强,氢键更容易延伸,需要的相变力就减小.

5.结 论

我们讨论了盐离子浓度对 DNA 变性相变产生的影响,得到了描述界面运动方程的扭结孤波解和

相变力随盐浓度的变化规律.结果表明,扭结孤立 子的幅度与盐浓度无关,但孤波宽度随盐浓度的增 加而减小.DNA 变性所需要的能量随盐浓度的增加 而增加,相变力随之增加,盐浓度越高越不容易变 性.这个结论与实验结果完全一致.

- [1] Pang X F 1993 Chin. Phys. Lett. 10 381
- [2] Pang X F 2000 Phys. Rev. E 62 6989
- [3] Yan X L , Liu S L 1997 Phys. Lett. A 229 126
- [4] Yan X L, Dong R X, Wang B Y 1999 Acta Phys. Sin. 48 751 (in Chinese) [闫循领、董瑞新、王伯运 1999 物理学报 48 751]
- [5] Dong R X, Yan X L 1999 Chin. J. Atom. Mol. Phys. 16 263 (in Chinese)[董瑞新、闫循领 1999 原子与分子物理学报 16 263]
- [6] Wartell R M , Benignt A S 1985 Phys. Rep. 126 67
- [7] Englander S W, Kallenbach N R, Heeger A J 1980 Proc. Natl. Acad. Sci. USA 77 7222
- [8] Peyrard M, Bishop A R 1989 Phys. Rev. Lett. 62 2755
- [9] Yomosa S 1994 Phys. Rev. A 30 474
- [10] Prohofsky E W 1988 Phys. Rev. A 38 1538
- [11] Lavalle N, Lee S A, Flox L S 1991 Phys. Rev. A 43 3126
- [12] Chen Y Z , Prohofsky E W 1994 Phys. Rev. E 49 3444
- [13] Baumann C G, Smith S B, Bloomfield V A 1997 Proc. Natl. Acad. Sci. USA 94 6185
- [14] Cluzel P , Lebrun A , Heller C 1997 Science 271 792
- [15] Strick T R , Allemand J F , Bensimon D 1997 Science 271 1835
- [16] Smith S B , Cui Y J , Bustamante C 1997 Science 271 795
- [17] WuSY, ZhangY, Lei XL et al 2002 Acta Phys. Sin. 51 1887 (in Chinese)[吴世英、张 益、雷晓玲等 2002 物理学报 51 1887]
- [18] Wenner J R , Williams M C , Rouzina I 2002 Biophys. J. 82 3160
- [19] Pang X F, Chen X R 2000 Chin. Phys. 9 108
- $\left[\begin{array}{cc}20\end{array}\right]$ $\left[\begin{array}{cc}\text{Pang X F}\right]$, Li P 2000 Chin . Phys . 9 86
- [21] Xiao J X , Lin J T , Zhang G X 1994 Phys. Rev. E 50 5039 ; Xiao J X , Zhang G X 1987 J. Phys. A : Math. Gen. 20 2425
- [22] Mrevlishvili G M, Metrevili N O, Razmadze G Z et al 1998 Thermoch. Acta 308 41
- [23] Cardellini E , Cinelli S 2000 Mol. Biol. Rep. 27 175
- [24] Belopolskaya T V, Tsereteli G I, Grunina N A et al 2000 J. Ther-

mal. Anal. 62 75

- [25] Chalikian T V , Völker J , Plum G E et al 1999 Proc. Natl. Acad. Sci. USA 96 7853
- [26] Soto A M, Kankia B, Dande P et al 2001 Nucleic Acids Res. 29 3638
- [27] Techera M, Daemen L L, Prohofsky E W 1989 Phys. Rev. A 40 6636; Techera M, Daemen L L, Prohofsky E W 1990 Phys. Rev. A 41 4543
- [28] Toda M , Wadati M 1973 J. Phys. Soc. Jpn. 34 18
- [29] Yomosa S 1984 Phys. Rev. A 30 474
- [30] Lin J T , Zhang L Y 1990 Phys. Rev. B 41 8762
- [31] Volkov S N 1989 J. Theor. Biol. 29 5012; Volkov S N 1989 Phys. Lett. A 136 41
- [32] Zhao Y, Zhang J H, Xu Z Y 2000 Journal of Shanghai Jiaotong University 34 334 (in Chinese)[赵 愉、张骥华、徐祖耀 2000 上 海交通大学学报 34 334]
- [33] Xu Z Y 1988 The Principle of Transition (Beijing: Science Press) p584(in Chinese)[徐祖耀 1988 相变原理(北京 科学出版社) 第 584页]
- [34] Pang X F 1994 Theory for Non-linear Quantum Mechanics (Chongqing: Chongqing Press) p440 (in Chinese)[庞小峰 1994 非线性量子力学理论(重庆:重庆出版社)第440页]
- [35] Pang X F 1997 Acta Phys. Sin. 46 626 (in Chinese) [庞小峰 1997 物理学报 46 626]
- [36] Yan X L , Dong R X , Pang X F 2001 Commun. Theor. Phys. 35 615
- [37] Yomosa S 1983 Phys. Rev. A 27 2120
- [38] Zhang L Y , Sun H , Lin J T 1999 Phys. Lett. A 259 71
- [39] Techera M , Daemen L L , Prohofsky E W 1990 Phys. Rev. A 42 1008
- [40] Peyrard M , Pnevmatikos S , Flytanis N 1987 Phys. Rev. A 36 903
- [41] Manning G S 1972 Biopolymers 11 937; Manning G S 1989 J. Chem. Phys. 90 5704

Dong Rui-Xin¹⁽²⁾ Yan Xun-Ling²) Pang Xiao-Feng¹) Liu Sheng-Gang¹)

¹⁾(School of Physical Electronics , University of Electronic Science and Technology of China , Chengdu 610054 , China)

²)(School of Physics Science and Information Engineering , Liaocheng University , Liaocheng 252059 , China)

(Received 27 December 2002 ; revised manuscript received 27 May 2003)

Abstract

The nonlinear dynamics model of DNA was studied, which is related to the salt concentration. The nonlinear dynamics equation and kink solution were obtained, the influence of salt on phase boundary and phase transition force of DNA denaturation were discussed. These results obtained by numerical calculations are in agreement with experimental data in DNA.

Keywords : DNA , salt concentration , phase boundary , phase transition force PACC: 8140, 0340K

^{*} Project supported by the Doctorate Foundation of the Ministry of Education , China (Grant No. 20010614005).