组氨酸和精氨酸的太赫兹光谱研究*

王卫宁† 李元波 岳伟伟

(首都师范大学物理系,北京 100037) (2006年3月30日收到2006年7月19日收到修改稿)

采用太赫茲时域光谱(THz-TDS)测试和理论模拟相结合的方法,研究了组氨酸和精氨酸在 THz 波段的光谱特性.THz-TDS测试的有效光谱范围为 0.2—2.8 THz,在该波段得到样品的特征吸收峰分别位于 0.88,1.64,2.23 THz (组氨酸)和 0.99,1.47,2.60 TH{ 精氨酸)运用 Gaussian03 半经验理论 PM3 和 AM1 算法,计算了两种分子在 0.1—10.0 THz 波段的振动吸收谱,结果表明它们在该波段均具有多个特征吸收,其中在 0.2—2.8 THz 波段的吸收峰位与实验吸收峰位相互对应并且符合较好,给出了与光谱特征吸收对应的分子振转模型,为认识分子对 THz 波的响应机制提供了帮助,也为分子鉴别及更宽有效光谱区的实验测试研究提供了科学依据.

关键词:太赫兹(THz),半经验理论,THz时域光谱,氨基酸 PACC:3310,3310J,7847

1.引 言

太赫茲时域光谱(THz-TDS)技术是 20 世纪 80 年代中期由 AT&T ,Bell 实验室和 IBM 公司的 T.J. Watson 研究中心发展起来的新型远红外光谱探测技 术.该技术基于超短相干脉冲的太赫兹(THz)产生 与探测原理,通过测量 THz 辐射脉冲的电场振幅, 可在其覆盖的频率范围同时获得强度和位相谱^{12]}. 近十几年来超快激光技术的迅速发展,为 THz 脉冲 的产生提供了稳定、可靠的激发光源,也极大促进了 THz-TDS 技术的应用发展.研究表明,许多有机分子 间的弱相互作用(如氢键)和生物分子的骨架振动能 级差位于 THz 波段^[3].利用 THz-TDS 技术可以获得 它们在 THz 波段的光学常数,进而研究其结构和动 力学特性。自 2000 年 Markelz 等人对 DNA、牛血清 蛋白和胶原质进行了 THz 光谱测试以来^{4]}, THz-TDS 技术在生物分子的探测方面,取得了许多令人鼓舞 的研究成果[5-7]

氨基酸是一类重要的生物分子,构成蛋白质的 20种氨基酸,同生命活动有着密切的关系.Taday等 人报道了谷氨酸在 0—3.0 THz 波段的吸收光谱及 其随温度变化的特性^[8],Yu 等人报道了色氨酸在 0.2—2.0THz 波段的吸收特性,通过密度泛函理论 (DFT)计算,对吸收峰进行了指认^[9];近年来,相继 又有酪氨酸、赖氨酸、甘氨酸、苯丙氨酸等蛋白质氨 基酸被报道^[10—15],它们在实验的有效光谱范围内, 具有各自的特征吸收,表明可以利用 THz-TDS 技术 鉴别分子.但对于 THz 光谱的特征吸收归属,亦即 THz 光谱与分子集体振动模之间的对应关系,除色 氨酸外,其他尚缺乏表征解释.

Gaussian03 软件是目前国际上使用最广泛的量 子化学软件,该软件提供了 DFT,半经验和从头算等 多种计算方法,可以研究分子能量和结构,化学键以 及反应能量,振动频率,红外和拉曼光谱等.近年来, 国际上对于生化分子的 THz 特征吸收的归属认证, 大多采用 DFT 理论,选取适当的算法(如 B3LYP)和 基组(如 6-31G^{*})计算分子在 THz 波段的简正振动 谱,对分子构象和与 THz 吸收峰对应的振转模式提 供基本认识和解释^[9,16,17].相关的理论研究处于探索 性阶段.

本文采用 THz-TDS 实验测试和理论模拟相结合的方法,研究组氨酸和精氨酸在 THz 波段的光谱特性.THz-TDS 测试的有效光谱范围为 0.2—2.8 THz; 理论模拟采用 Gaussian03 软件半经验理论 PM3 和 AM1 算法,计算光谱的范围为 0.1—10.0 THz.将

† E-mail : wwn-phy@mail.cnu.edu.cn

^{*}国家自然科学基金(批准号:10390160,10474067)和北京市教育委员会科技发展计划面上项目(批准号:KM200410028004)资助的课题。

0.2—2.8 THz 波段的计算结果与实验测试结果进行 对比,并通过理论模拟的振转模型,帮助我们认识分 子对 THz 波的光谱响应机理.

2. 实验及数据处理

THz-TDS 实验系统见文献[12].采用锁模钛宝 石激光器(MaiTai laser)作为抽运光源,重复频率 82 MHz,中心波长 810 nm,脉宽 100 fs,脉冲功率 980 mW.抽运光经光学系统,以一定角度入射到 p 型 100 砷化铟(InAs)晶体上,产生频率范围约为 0.2—3.0 THz 的 THz 脉冲;此脉冲被抛物面镜聚焦 到测试样品上,经样品透射后与探测光脉冲共线经 过 110 碲化锌(ZnTe)探测晶体.探测方法采用电光 取样技术,通过测量探测光偏振态的变化得到载有 样品信息的 THz 脉冲电场信息.探测光信号由平衡 二极管探测器探测,经过锁相放大器放大后输入计 算机进行处理.实验在室温(约 20℃)下进行;为减 少空气中水分对 THz 波的吸收并提高信噪比,将 THz 光路罩在充有氮气的箱体内,箱内保持相对湿 度小于 2%.

组氨酸和精氨酸购置于北京鼎国生物技术有限 公司,为分析纯多晶粉末.采用粉末研磨压片 (2000 kg力)的方法制备样品;由于纯粉末样品难以 成型,故将其与聚乙烯粉末(在THz 波段几乎透明) 按一定质量比混合压片,样品为圆盘试样,厚度约为 1 mm,直径13 mm,前后表面平行.研究表明,纯样品 与聚乙烯粉末的配比不同,它们的有效吸收光谱范 围不同.在本研究中,分别采用1:1,1:3等多种配比 进行测试,表明其中1:1的配比具有较高的有效光 谱范围,实验具有重复性.

根据 Timothy 和 Duvillaret 等人提出的提取材料 THz 光学参数的物理模型^[18,19],提取样品的吸收系 数 α (ω)和折射率 n(ω).

设 *E*_{reference}(ω)和 *E*_{sample}(ω)分别为参考波(不经 过样品)和信号波(经过样品)则样品和参考波的复 透射函数为

$$T = E_{\text{sample}}(v) E_{\text{reference}}(v)$$
$$= \frac{4N}{(1+N)^2} e^{i2\pi (N-1)dv/c} = A e^{i\varphi} , \qquad (1)$$

其中 ,v ,A , φ 和 d 分别为频率 ,两波振幅比 ,两 波相位差和样品厚度 ; $N = n + i\kappa$,为复折射率 ;样品 的折射率系数 n 和吸收系数 α 的算式为

$$=\frac{c\varphi}{2\pi dv}+1, \qquad (2)$$

$$\alpha = \frac{4\pi\kappa v}{c} = \frac{2}{d} \ln\left(\frac{4n}{A(n+1)^2}\right). \tag{32}$$

3. 理论计算

п

本文分别利用密度泛函理论、从头算理论和半 经验理论对组氨酸和精氨酸在 THz 波段的特征吸 收进行了模拟,对比发现,分别用半经验理论的 PM3 算法和 AM1 算法对组氨酸和精氨酸进行计算的结 果与实验结果符合较好.

采用半经验理论计算的基本程序是,选取算法 并对分子建模和几何优化;在此基础上,以相同的理 论和算法,计算分子在远红外波段的简正振动谱.分 子模型为单分子,计算结果没有虚频出现,说明得到 了其构象势能面上的最低点.由于理论模型与实验 存在误差,高斯软件提供了相应的矫正因子进行修 正.在半经验理论 AM1 和 PM3 算法中,其参考矫正 因子分别为 0.9532 和 0.9761.

4. 结果与讨论

4.1. 组氨酸和精氨酸的 THz 光谱

图 1 和图 2 分别为两种样品的 THz 实验吸收光 谱,其频谱范围为 0.2-2.8 THz.显然,两种分子在 该波段各具有三个明显的吸收峰,分别位于0.88, 1.64 2.23 THz 组氨酸)和 0.99 ,1.47 ,2.60 THz 精 氨酸).图 3 和图 4 分别为采用半经验 PM3 和 AM1 算法得到的组氨酸和精氨酸的 THz 光谱,频谱范围 为 0.1-10.0 THz,其中嵌入图为理论与实验在 0.2-2.8 THz 范围内的比较图.结果表明,在 0.1-10.0 THz 范围 组氨酸分子有 7 个特征吸收峰 前三 个吸收峰分别位于 1.19, 1.90 和 2.57 THz;精氨酸 分子有 9 个特征吸收峰,前三个吸收峰分别位于 1.20 ,1.85 和 2.56 THz 理论计算的前三个吸收峰位 与实验吸收峰位分别相互对应并且符合较好.组氨 酸和精氨酸在 THz 波段吸收谱的理论模拟,为 THz-TDS 的测试结果提供了佐证,也为具有更宽有效光 谱的进一步实验研究提供了预测,理论计算与实验 的特征吸收峰参数列于表 1.

表 2 列出了近年来文献报道的其他 8 种氨基酸 在 THz 波段的特征吸收峰位.其中酪氨酸有两组数



图 1 组氨酸的 THz 实验吸收光谱



图 2 精氨酸的 THz 实验吸收光谱

据,分别为本文作者和他人所得,在有效光谱测试范 围,两者结果基本一致.从表1,2中我们看出,这些 氨基酸在所研究的实验光谱范围内均具有明显的特 征吸收,且峰位各异;比较发现,具有较长侧链结构、 分子量较大的氨基酸(如赖氨酸、谷氨酰胺、谷氨酸 等)比短链结构、质量较小的氨基酸(甘氨酸、丙氨 酸、天冬氨酸)一般具有更多的吸收峰,且短链结构 氨基酸的吸收峰趋向于高频端,谱带较宽.

表 1 精氨酸及组氨酸的特征吸收峰位(THz)									
组氨	ī酸	精氨酸							
理论	实验	理论	实验						
1.19	0.88	1.20	0.99						
1.90	1.64	1.85	1.47						
2.57	2.23	2.56	2.60						
4.64	-	3.24	-						
6.79	-	5.23	-						
7.80	-	5.93	-						
8.73	-	7.69	-						

8.52

9.89







图 4 精氨酸的理论预测光谱

氨基酸	赖氨酸	谷氨酰胺	谷氨酸	酪氨酸		色氨酸	甘氨酸	天冬氨酸	丙氨酸
文献	[13]	[12]	[8]	[12]	[10]	[9]	[13]	[10]	[13]
有效光谱范围/THz	0.1-2.8	0.1-2.8	0.1-3.0	0.1-2.8	0.1-3.5	0.1-2.0	0.1-2.8	0.1-3.5	0.1-2.8
吸收峰位/THz	1.29	1.67	1.67	0.97	0.96	1.481	2.47	2.60	2.23
	1.78	2.14	2.22	1.90	1.91	1.819			2.56
	2.26	2.31	2.46	2.08	2.08				
	2.58	2.46		2.66	2.70				

表 2 若干氨基酸在 THz 波段的特征吸收峰位

4.2. 组氨酸和精氨酸的振转模式

半经验理论计算结果表明,与THz光谱的特征 吸收对应的振动模式,为以分子基团的骨架振动和 扭转为主要特征,不同峰位的振动和扭转模式及幅 度不同.借助GaussView 3.09的视频功能,通过动态 观察,可以对特征吸收峰做大致归属.图 5 和图 6 分 别是从组氨酸和精氨酸的前三个特征吸收的振动输 出文件中提取的分子构象图,其中(a(b)(c(d), (e)f)两两对应,为分子振转中两个状态,箭头表示 振转方向.

组氨酸在 1.19 THz 处的吸收 :羧基(1,20,13, 19)近似在 *x-z* 平面内以 *y* 方向为轴扭转,其他基团 整体近似绕 *x* 轴的扭摆(图 <u>5</u>(a)(b));1.90 THz 处 的吸收是主要由环状结构和羧基近似在 *x-y* 平面内 以z 为转轴扭动造成(图f(c)(d));而 2.57 THz 处 的振动吸收主要包含虚线框部分基团与环状结构近 似在 y-z 平面内以x 为轴的两种相反方向的转动, 这两种转动同样使整个分子呈现扭转模式(图f(c)(f)).

精氨酸在 1.20 THz 处的吸收峰,主要是氨基 (1 2,17 和 3 *A*,16 近似以 *x* 轴为转轴在 *y-z* 平面内 的转动,及羧基(15,25,26,27 近似以 *y* 方向为转轴 在 *x-z* 平面的内转动共同作用形成的(图 6(a), (b));在 1.85 THz 处的吸收,主要是由链上的原子 (18 *5 6*,7 *8 9*,21,22 等)近似以 *x* 方向为转轴的扭 转造成(图 6(c)(d));2.56 THz 处的吸收主要由氨 基的两个氢原子(1 和 2)近似以 *y* 为转轴的扭动造 成,另外还包括了分子其他部分较小振幅的扭动(图 6(c)(f)).



1.19THz(a) (b)

1.90 THz(c) (d)

2.57 THz(e) (f)

图 5 组氨酸的输出构象 (a) 中序号 :1—9 为氢原子 ,10—12 为氮原子 ,13—18 为碳原子 ,19 和 20 为氧原子



图 6 精氨酸的输出构象 (a) 冲序号 :1—15 为氢原子 ,16—19 为氮原子 .20—25 为碳原子 .26 和 27 为氧原子

5.结 论

采用 THz-TDS 测试和半经验理论计算相结合的 方法,研究了组氨酸和精氨酸在 THz 波段的光谱特 性.结果表明:在 0.2—2.8 THz 波段,组氨酸和精氨 酸的实验特征吸收峰分别位于 0.88,1.64,2.23 THz 和 0.99 ,1.47 ,2.60 THz ;理论计算表明 ,两种分子在 0.1—10 THz 波段具有多个特征吸收峰 ,其在 0.2— 2.8 THz 波段与实验结果相互对应且符合较好 ;与 THz 光谱的特征吸收对应的振转模式 ,为以分子基 团的骨架振动和扭转为主要特征 ,不同峰位的振动 和扭转模式及幅度不同.本文的研究为氨基酸分子 的鉴别及认识分子对 THz 波的吸收动力学特征提

供了依据,也为具有更宽有效光谱的进一步实验研 究提供了预测. 作者对北京市纳米光电子重点实验室对本文的理论计 算提供的支持与合作表示感谢。

- [1] Auston D H, Cheung K P, Valdmanis J A, Kleinman D A 1984 Phys. Rev. Lett. 53 1555
- [2] Fattinger C Grischkowsky D 1988 Appl. Phys. Lett. 53 1480
- [3] Zhang X C 2002 Phys. Med. Biol. 47 3667
- [4] Markelz A G, Roitberg A, Heilweil E J 2000 Chem. Phys. Lett. 320 42
- [5] Upadhya P C , Shen Y C , Davies A G Linfield E H 2003 Journal of Biological Physics 29 117
- [6] Nagai N , Kumazawa R , Fukasawa R 2005 Chem. Phys. Lett. 413 495
- [7] Hu Y, Wang X H, Guo L T, Zhang C L, Liu H B Zhang X C 2005 Acta Phys. Sin. 54 4124 (in Chinese)[胡 颖、王晓红、郭澜 涛、张存林、刘海波、张希成 2005 物理学报 54 4124]
- [8] Taday P F, Bradley I V, Arnone D D 2003 Journal of Biological Physics 29 109
- [9] Yu B , Zeng F , Yang Y , Xing Q , Chechin A , Xin X , Zeylikovich I ,Alfano R R 2004 Biophysical Journal 86 1649
- [10] Miyamaru F, Yamaguchi M, Tani M, Hangyo M, Yamamoto K, Tominaga K 2003 CLEO '03 3
- [11] Yue W W, Wang W N, Zhao G Z, Zhang C L, Yan H T 2005 Acta Phys. Sin. 54 3094 (in Chinese)[岳伟伟、王卫宁、赵国忠、张

存林、闫海涛 2005 物理学报 54 3094]

- [12] Wang W N , Yue W W , Yan H T , Zhang C L ,Zhao G Z 2005 Chinese Science Bulletin 50 1561
- [13] Yue W W, Zheng Y Y, Yan H T, Wang W N 2005 Proceeding of the International Conference on Photonics and Imaging in Biology and Medicin PIBM '2005
- [14] Xu H, Yu X H, Zhang Z Y, Han J G, Li Q N, Zhu Z Y Li W X 2005 Journal of the Graduate School of the Chinese Academy of Sciences 22 90 (in Chinese)[徐 慧、余笑寒、张增燕、韩家广、 李晴暖、朱志远、李文新 2005 中国科学院研究生院学报 22 90]
- [15] Korter T M, Balu R, Campbell M B, Beard M C, Gregurick S K, Heilweil E J 2006 Chem. Phys. Lett. 418 65
- [16] Wang W N , Yan H T , Yue W W , Zhao G Z , Zhang C L , Liu H B Zhang X C 2005 Science in China Ser. G Physics , Mechanics & Astronomy 48 585
- [17] Fischer B M, Walther M Jepsen P U 2002 Physics in Medicine and Biology 47 3807
- [18] Timothy D D, Richard G B, Daniel M M 2001 Journal of the Optical Society of America A 18 1562
- [19] Duvillaret L , Garet F , Coutaz J L 1999 Appl. Opt. 38 409

Vibrational spectrum of histidine and arginine in THz range*

Wang Wei-Ning[†] Li Yuan-Bo Yue Wei-Wei

(Department of Physics, Capital Normal University, Beijing 100037, China) (Received 30 March 2006; revised manuscript received 19 July 2006)

Abstract

This paper reports the spectral characteristics of histidine and arginine in THz range by calculation and terahertz timedomain spectroscopy (THz-TDS). Absorption peaks are found at 0.88, 1.64, 2.23 THz (for histidine) and 0.99, 1.47, 2.60 THz (for arginine) by THz-TDS, respectively. The vibrational absorption spectra of the two molecules are calculated based on semi-empirical theory in the range of 0.1—10 THz. The calculated spectrum exhibits many absorption peaks and the first three of them are well comparable with the experiment results in the range of 0.2—2.8 THz. The vibration rotation modes corresponding to the absorption peaks of the molecules are presented. These results mutually validated both approaches, and can further be used in identification of molecules and experimental research in wider effective spectral range.

Keywords: terahertz (THz), semi-empirical theory, terahertz time-domain spectroscopy, amino acid PACC: 3310, 3310J, 7847

^{*} Project supported by the National Natural Science Foundation of China (Grant Nos. 10390160, 10474067) and the Science and Technology Development Foundation from the Education Commission of Beijing, China (Grant No. KM200410028004).

[†] E-mail:wwn-phy@mail.cnu.edu.cn